

IDENTIFICAÇÃO DE ESPÉCIES DO GÊNERO Candida UTILIZANDO O ESPAÇADOR INTERGENICO 2 DO LOCUS DO DNA RIBOSSOMAL

Anna Paula Silva Olak (PIBITI/CNPQ/UEL), Eliandro Reis Tavares, Sueli Fumie Yamada-Ogatta, Lucy Megumi Yamauchi, lionimy@uel.br

Universidade Estadual de Londrina/ Centro de Ciências Biológicas/ Departamento de Microbiologia.

Ciências biológicas; microbiologia aplicada

Palavras Chave: Candida spp.; IGS2, Identificação

Introdução

Candida albicans é uma levedura oportunista que integra a microbiota humana, porém, em indivíduos que apresentam quadros de imunossupressão, este fungo pode tornar-se patogênico, causando desde infecções superficiais até infecções invasivas. A identificação molecular da espécie deve ser rápida e confiável para que a levedura seja diferenciada de outras espécies de Candida spp. e, consequentemente, que o melhor tratamento seja oferecido. Algumas regiões do DNA ribossomal são utilizadas para o diagnóstico molecular. As regiões dos espaçadores intergênicos (IGS) apresentam uma maior variabilidade e as regiões dos espaçadores interno transcritos (ITS) apresentam-se mais conservada entre as espécies de levedura. O objetivo deste projeto foi avaliar se a região IGS2 apresenta especificidade para identificar diferentes espécies de Candida de interesse médico.

Problema

Devido às diferenças na patogenicidade e perfil de sensibilidade aos antifúngicos das várias espécies de *Candida*, a identificação precoce das leveduras é crucial para que seja feito o tratamento adequado das candidemias.

Soluções e Benefícios

A análise das sequências de IGS2 de várias espécies de Candida resultou em quatro pares de iniciadores específicos para identificação de C. albicans, C. tropicalis, C. parapsilosis e C. glabrata. PCR convencional utilizando DNA genômico de C. albicans ATCC26790, C. tropicalis ATCC28707, C. parapsilosis ATCC1975 e C. glabrata ATCC518 gerou amplicons de 303, 303, 219 e 295 bp, respectivamente. padronização, Após а oligonucleotídeos iniciadores delineados apresentaram especificidade para as suas espécies respectivas, permitindo a diferenciação entre elas, sem amplificações inespecíficas quando testados em reações contendo DNA genômico de outros gêneros de fungos como Cryptococcus neoformans, C. gattii, Paracoccidioides brasiliensis, Sporothrix sp., Histoplasma capsulatum, Trichophyton rubrum, Aspergillus. niger, A. fumigatus (tabela 1).

Potencial de Mercado e Diferencial Competitivo

Os oligonucleotídeos iniciadores foram capazes de amplificar a região IGS2 de diferentes espécies de *Candida*. Sendo uma região promissora para ser utilizada

na identificação desses fungos sem ter reatividade cruzada com outros fungos.

Tabela 1. Especificidade das reações de amplificação dos iniciadores de espécies de *Candida*

Fungos	CaNTS2	CtNTS2	CpNTS2	CgNTS2
C. albicans ATCC 26790	+	-	-	=
C. tropicalis ATCC 28707	-	+	-	-
C. parapsilosis ATCC	-	-	+	-
1975				
C. glabrata PT 518	-	-	-	+
C. krusei ATCC 520	-	-	-	-
C. dubliniensis ATCC 974	-	-	-	-
C. guilliermondii PT822	-	-	-	-
C. lusitaneae PT1007	-	-	-	-
C. metapsilosis PT2263	-	-	-	-
C. orthopsilosis PT2259	-	-	-	-
C. bracarensis PT1217	-	-	-	-
C. neoformans ATCC	-	-	-	-
66031				
C. gattii ATCC 56990	-	-	-	-
P. brasiliensis	-	-	-	-
Sporothrix sp.	-	-	-	-
H. capsulatum	-	-	-	-
IMT/HC128				
T. rubrum	-	-	-	-
A. niger	-	-	-	-
A. fumigatus	-	-	-	-

Considerações Finais

Os iniciadores testados mostraram-se específicos, podendo ser utilizados para o desenvolvimento de um kit de identificação de infecções causadas por espécies de *Candida*.

Estágio de Desenvolvimento da Tecnologia

(X) Laboratório	()) Mercado
() Scale-up (mudanca de escala)	()) Protótipo

Agradecimentos

Agradeço ao CNPQ pela bolsa e aos orientadores Lucy Megumi Yamauchi, Sueli Fumie Yamada-Ogatta e Eliandro Reis Tavares.

Contato Institucional

Universidade Estadual de Londrina

AINTEC - Agência de Inovação Tecnológica da UEL

Telefone: (43) 3371-5812

Home page: http://www.aintec.com.br/